

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** ROLE Marie  
**Elevage :** 33478  
**Demandeur :** ROLE Marie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** MAINO Mathieu (29598)  
**Référence :** EXT20211641

**ROLE Marie**  
La Challerie  
53290 BIERRE

**Date de prélèvement :** 02/09/2021  
**Nombre de prélèvements :** 1  
**Espèce :** CHAT  
**Date de naissance :** 28/06/2021

**Date de réception :** 06/09/2021  
**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)  
**Race :** MCO - Maine Coon  
**Sexe :** Femelle

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 09/09/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC47590 Nom : SIGUI DES AMOURS à POILS Puce : 250268743703164		PORTEUR (+/-)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

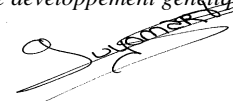
**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 14/09/2021

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** ROLE Marie  
**Elevage :** 33478  
**Demandeur :** ROLE Marie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** MAINO Mathieu (29598)  
**Référence :** EXT20211641

**ROLE Marie**  
La Challerie  
53290 BIERRE

**Date de prélèvement :** 02/09/2021  
**Nombre de prélèvements :** 1  
**Espèce :** CHAT  
**Date de naissance :** 28/06/2021

**Date de réception :** 06/09/2021  
**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)  
**Race :** MCO - Maine Coon  
**Sexe :** Femelle

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 09/09/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC47590 Nom : SIGUI DES AMOURS à POILS Puce : 250268743703164		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

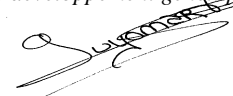
**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 14/09/2021**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> ROLE Marie	<b>ROLE Marie</b>
<b>Elevage :</b> 33478	<b>La Challerie</b>
<b>Demandeur :</b> ROLE Marie	
<b>Organisation :</b>	<b>53290 BIERRE</b>
<b>Préleveur :</b> MAINO Mathieu (29598)	
<b>Référence :</b> EXT20211641	

<b>Date de prélèvement :</b> 02/09/2021	<b>Date de réception :</b> 06/09/2021
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 28/06/2021	<b>Sexe :</b> Femelle

### Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 09/09/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC47590 Nom : SIGUI DES AMOURS à POILS Puce : 250268743703164		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

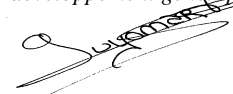
*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 14/09/2021**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** ROLE Marie  
**Elevage :** 33478  
**Demandeur :** ROLE Marie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** MAINO Mathieu (29598)  
**Référence :** EXT20211641

**ROLE Marie**  
La Challerie  
53290 BIERRE

**Date de prélèvement :** 02/09/2021  
**Nombre de prélèvements :** 1  
**Espèce :** CHAT  
**Date de naissance :** 28/06/2021

**Date de réception :** 06/09/2021  
**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)  
**Race :** MCO - Maine Coon  
**Sexe :** Femelle

### GS ADN

**Date d'exécution :** 09/09/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC47590 Nom : SIGUI DES AMOURS à POILS Puce : 250268743703164		nonb/nonb

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 14/09/2021**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique

